

COLOSSALE-Arnaque

La séquence d'amorce du test PCR du coronavirus de l'OMS se trouve dans l'ADN de chaque humain !!

Encore une preuve de la grosse arnaque du siècle. C'est suffisamment important pour que je veuille la sortir immédiatement. Mes recherches sur la base de données NCBI pour les séquences nucléotidiques ont conduit à une découverte étonnante. L'une des séquences d'amorces de l'OMS dans le test PCR pour le SRAS-CoV-2 se trouve dans tout ADN humain!

Autrement dit, tout être humain testé avec PCR est positif, donc faussement contaminé !! Ensuite, c'est à la tête du testeur et du testé qu'on décidera du résultat officiel.

La séquence «CTCCCTTTGTTGTGTTGT» est une séquence d'amorces de 18 caractères trouvée dans le document [de protocole de test PCR du coronavirus de l'OMS](#). Les séquences d'amorces sont celles qui sont amplifiées par le processus de PCR afin d'être détectées et désignées comme un résultat de test «positif». Il se trouve que cette *même* séquence de 18 caractères, verbatim, **se trouve également sur le chromosome 8 de l'Homo sapiens** ! Pour autant que je sache, cela signifie que les kits de test de l'OMS devraient trouver un résultat positif chez tous les humains. Quelqu'un peut-il expliquer cela autrement?

Je ne peux vraiment pas surestimer la signification de cette découverte. Au minimum, cela devrait avoir un impact notable sur les résultats des tests.

Peut-être que le Dr Mayer peut vérifier, ou confirmer / infirmer cela ?

Le chromosome 8 d'Homo sapiens, ensemble primaire GRCh38.p12

ID séquence: NC_000008.11 Longueur: 145138636

Plage 1: 63648346 à 63648363 est «CTCCCTTTGTTGTGTTGT»

Mise à jour: Après quelques efforts, j'ai enfin découvert un moyen d'afficher la preuve (au-delà de mes captures d'écran) que le chromosome humain 8 a exactement la même séquence de 18 caractères. Veuillez essayer le lien ci-dessous. La séquence est affichée au bas de la page.

[https://www.ncbi.nlm.nih.gov/nucleotide/NC_000008.11?report=genbank&log\\$=nuclalign&from=63648346&to=63648363](https://www.ncbi.nlm.nih.gov/nucleotide/NC_000008.11?report=genbank&log$=nuclalign&from=63648346&to=63648363)

Primers and probes

Name	Sequences (5'-3')	Length (bases)	PCR product size	Ref.
RdRp gene / nCoV_IP2				
nCoV_IP2-12669Fw	ATGAGCTTAGTCCTGTTG	17	108 bp	1
nCoV_IP2-12759Rv	CTCCCTTTGTTGTGTTGT	18		
nCoV_IP2-12696bProbe(+)	AGATGTCTTGTGCTGCCGGTA [5']Hex [3']BHQ-1	21		
RdRp gene / nCoV_IP4				
nCoV_IP4-14059Fw	GGTAACTGGTATGATTTTCG	19	107 bp	1
nCoV_IP4-14146Rv	CTGGTCAAGGTTAATATAGG	20		
nCoV_IP4-14084Probe(+)	TCATACAAACCACGCCAGG [5']Fam [3']BHQ-1	19		
E gene / E_Sarbeco				
E_Sarbeco_F1	ACAGGTACGTTAATAGTTAATAGCGT	18	125 bp	2
E_Sarbeco_R2	ATATTGCAGCAGTACGCACACA	20		
E_Sarbeco_P1	ACACTAGCCATCCTTACTGCGCTTCG [5']Fam [3']BHQ-1	20		

1/ National Reference Center for Respiratory Viruses, Institut Pasteur, Paris.

2/ Corman et al. Eurosurveillance²

[Download](#) ▾ [GenBank](#) [Graphics](#) Sort by: E value ▾

Homo sapiens chromosome 8, GRCh38.p12 Primary Assembly
 Sequence ID: [NC_000008.11](#) Length: **145138636** Number of Matches: **3**

Range 1: 63648346 to 63648363 [GenBank](#) [Graphics](#) ▾ [Next Match](#) ▲ [Previous Match](#)

Score	Expect	Identities	Gaps	Strand
36.2 bits(18)	0.098	18/18(100%)	0/18(0%)	Plus/Plus

Features: [438640 bp at 5' side: YTH domain-containing family protein 3 isoform X2](#)
[932428 bp at 3' side: class E basic helix-loop-helix protein 22](#)

```

Query 1          CTCCCTTTGTTGTGTTGT 18
                |||
Sbjct 63648346  CTCCCTTTGTTGTGTTGT 63648363
  
```

Preuve sensationnelle : les paires de bases d'ARN COVID sont identiques à l'ADN humain du chromosome 8

YumNaturals Emporium - 20 août 2020 [VIDEO](#)

[Source : BOMBSHELL: WHO Coronavirus PCR Test Primer Sequence is Found in All Human DNA](#)

By [Rixon Stewart](#) on August 21, 2020

--